

Bs Trần Thị Kiều Loan –

Hiện nay nhiều loài vi khuẩn đã được nghiên cứu có sở đề kháng với một số loài kháng sinh phổ biến. Sở đề kháng tự nhiên của các vi khuẩn theo CLSI 2017 (Clinical and laboratory standards institute: Viện nghiên cứu chuẩn phòng xét nghiệm và lâm sàng) đã cho kết quả về đề kháng tự nhiên của nhiều loài vi khuẩn như *Acinetobacter baumani*, *burkholderia cepacia* complex, *pseudomonas aeruginosa*, *enterococcus faecalis*.... theo bảng đính kèm.

Bạn có thể thấy chính mà vi khuẩn thì hiện tính kháng kháng sinh là:

1. Bất hoạt hoặc sửa đổi thuốc: ví dụ, khả năng tính enzyme của [penicillin G](#) một số vi khuẩn kháng penicillin thông qua việc sản xuất

[-lactamase](#)

. Thông thường nhất, các enzyme này có thể sửa đổi bất kỳ phân tử bào vi khuẩn sẽ thêm một nhóm acetyl hoặc phosphate vào một vị trí cụ thể trên kháng sinh, điều này sẽ làm giảm khả năng liên kết với các ribosome của vi khuẩn và phá vỡ sự tổng hợp protein.

2. Thay đổi vị trí mục tiêu hoặc liên kết: ví dụ: thay đổi vị trí mục tiêu gắn kết [PBP](#), các mục tiêu liên kết của penicillin trong

[MRSA](#)

và các vi khuẩn kháng penicillin khác. Một cách khác để tìm thấy giữa các loài vi khuẩn là protein của ribosome. Nhưng protein này của vi khuẩn kháng sinh nhúng vào các ribosome của tế bào để ức chế tổng hợp protein. Có thể liên quan đến sự gắn kết của các protein của ribosome với các ribosome của tế bào vi khuẩn, thì đó thay đổi hình dạng của nó. Điều này cho phép các ribosome tiếp tục tổng hợp các protein thiết yếu cho tế bào để ngăn ngừa kháng sinh liên kết với ribosome để ức chế tổng hợp protein.

3. Thay đổi con đường trao đổi chất: ví dụ, một số vi khuẩn kháng [sulfonamid](#) không cần [axit para-aminobenzoic](#)

(PABA), một tiền chất quan trọng để tổng hợp

[axit folic](#)

và

[axit nucleic](#)

vi khuẩn cần để tổng hợp sulfonamide, thay vào đó, như tế bào để tổng hợp vật có vú để sản xuất axit

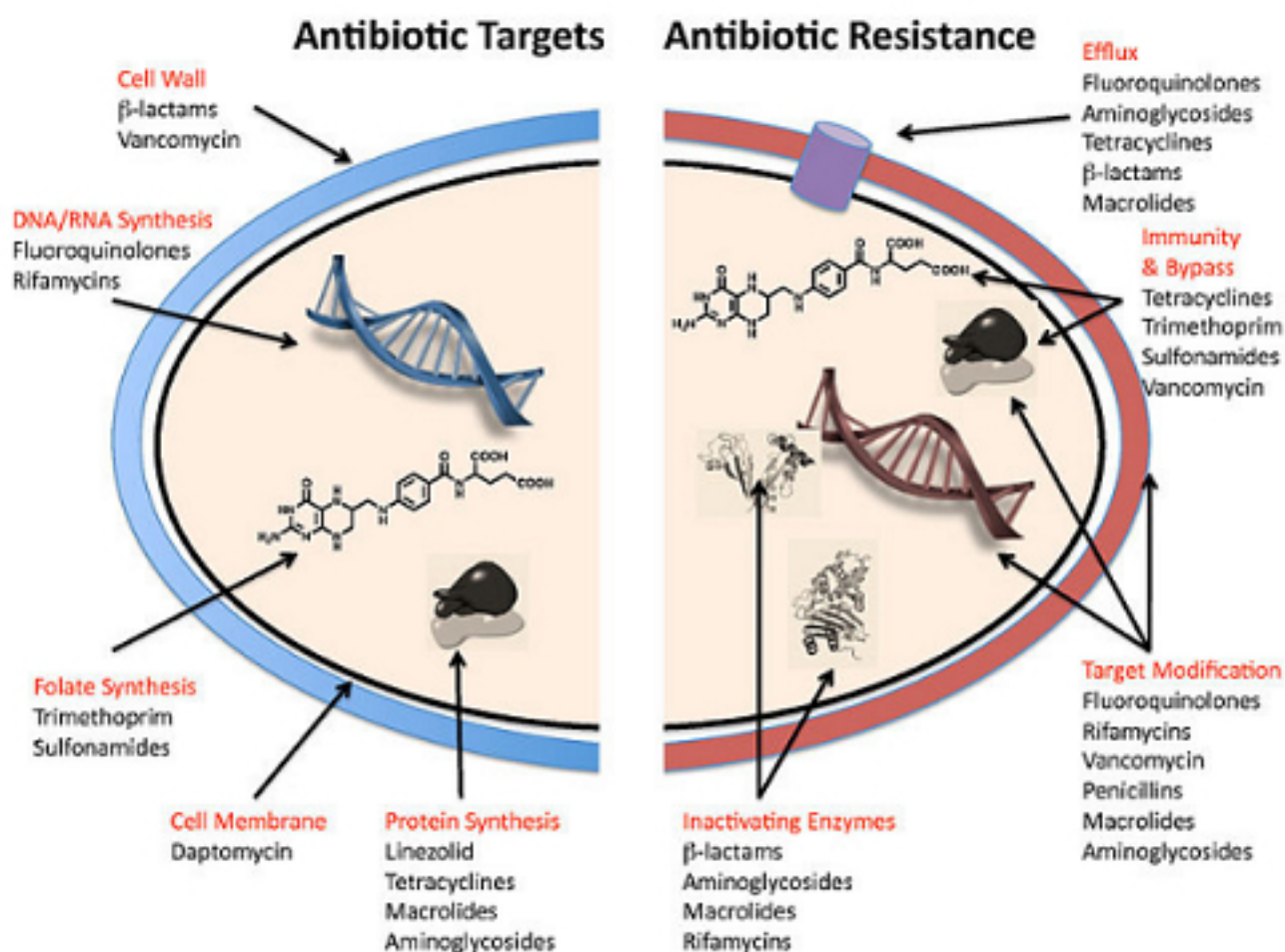
folic preformed

4. Giảm tích lũy thuốc: bằng cách giảm tính thấm thuốc hoặc tăng dòng chảy hoặc tăng (bơm ra) thuốc trên bề mặt tế bào. Nhưng bơm này trong màng tế bào của một số loài vi khuẩn để có sự dòng để bơm kháng sinh ra khỏi tế bào trước khi chúng có thể làm bất kỳ thiệt hại. Chúng thường được kích hoạt bởi một chất nào đó có thể liên quan đến một loại kháng sinh.

[135]

những trong

[kháng fluoroquinolone](#)



Một số cơ chế để có sự dòng bơm các kháng sinh thông thường để đi phó với vi khuẩn và cách thức vi khuẩn trở nên kháng thuốc.

Sự đề kháng tự nhiên của vi khuẩn

Vị trí bài Biên tập viên

Thứ năm, 31 Tháng 12 2020 15:14 - Lần cập nhật cuối Thứ năm, 31 Tháng 12 2020 16:58

Vi khuẩn gram âm, các gen kháng trung gian plasmid tạo ra các protein có thể liên kết với [DNA gyrase](#)

, báo và nó khởi tác động của quinolone. Cùng, các đột biến tại các vị trí quan trọng trong DNA gyrase hoặc

[topoisomerase IV](#)

có thể làm giảm ái lực gắn kết của chúng với quinolone, làm giảm hiệu quả của thuốc.

Một số vi khuẩn kháng tự nhiên với một số loài kháng sinh; ví dụ, vi khuẩn gram âm kháng với hầu hết [các loài kháng sinh-Lactam](#) do sở hữu di truyền của [men Lactamase](#). Kháng kháng sinh cũng có thể có được do kết quả của đột biến gen hoặc

[chuyển gen ngang](#)

. Mặc dù đột biến là rất hiếm, với đột biến thường phát trong

[bộ gen](#)

[mầm bệnh](#)

xảy ra với tần suất khoảng 1 trên 10^5 đến 1 trên 10^8 mỗi lần sao chép nhiễm sắc thể, thực tế là vi khuẩn sinh sản với tốc độ cao cho phép đột biến là đáng kể. Cho rằng tuổi thọ và sản xuất của các thế hệ mới có thể chỉ trong một vài giờ, một đột biến mới trong tế bào cha mẹ có thể nhanh chóng trở thành một đột biến

[di truyền](#)

của tế bào phải biến đổi rất nhanh, dẫn đến sự

[biến đổi vị](#)

khuẩn của một thuốc của kháng thuốc hoàn toàn. Tuy nhiên, đột biến nhiễm sắc thể cũng tạo ra một chi phí cho tế bào. Ví dụ, đột biến ribosome có thể báo và tế bào vi khuẩn bằng cách thay đổi vị trí gắn kết của kháng sinh nhưng cũng sẽ làm chậm quá trình tổng hợp protein, biến hiệu, và tốc độ tăng trưởng chậm hơn. Hơn nữa, một số đột biến thích nghi có thể lan truyền không chỉ thông qua di truyền mà còn thông qua

[chuyển gen ngang](#)

. Các chủ đề biến đổi của chuyển gen ngang là chuyển các

[plasmid](#)

mang gen kháng kháng sinh giữa các vi khuẩn cùng loài hoặc khác nhau thông qua

[liên hợp](#)

. Tuy nhiên, vi khuẩn cũng có thể tiếp nhận thông qua

[chuyển đổi](#)

, như trong *Streptococcus pneumoniae* nhận lấy của mầm bệnh trên của DNA ngoại bào có chứa gen kháng kháng sinh để streptomycin, thông qua

[truyền](#)

, như trong việc chuyển giao bacteriophage qua trung gian của các gen kháng tetracycline giữa chủng *S. pyogenes*, hoặc thông qua

[các tác nhân chuyển gen](#)

, là các hạt được sản xuất bởi tế bào chủ giúp gắn với cấu trúc vi khuẩn và có khả năng chuyển DNA.

Sở đề kháng tự nhiên của vi khuẩn

Vị trí bài Biên tập viên

Thứ năm, 31 Tháng 12 2020 15:14 - Lần cập nhật cuối Thứ năm, 31 Tháng 12 2020 16:58

Kháng kháng sinh có thể được đưa vào vi sinh vật một cách nhân tạo thông qua các giao thụ trong phòng thí nghiệm, đôi khi được sử dụng như một [điều kiện có thể lựa chọn](#) để kiểm tra các cơ chế chuyển gen hoặc để xác định các cá nhân hợp thể một đoạn DNA bao gồm gen kháng và một gen quan tâm khác.

Những phát hiện gần đây cho thấy không còn thời điểm phải có quần thể vi khuẩn lớn cho sự xuất hiện của kháng kháng sinh. Các quần thể như E.coli trong một môi trường kháng sinh sẽ kháng kháng sinh. Bất kể môi trường không được nhốt liên quan đến việc dinh dưỡng và kháng sinh có thể tạo điều kiện cho kháng kháng sinh trong quần thể vi khuẩn nhỏ. Các nhà nghiên cứu đã đưa ra giả thuyết rằng cơ chế phát triển kháng thuốc dựa trên biến thể SNP trong bộ gen của E.coli được tạo ra bởi một cơ chế kháng sinh.

Trong những năm gần đây, sự xuất hiện và lan rộng của [-lactamase](#) được gọi là [carbapenemase](#) đã trở

thành một cuộc kháng kháng sinh sẽ có khả năng. Một loại carbapenemase như vậy là

[New Delhi metallo-beta-lactamase 1](#)

(NDM-1), một

[loại enzyme](#)

làm cho

[vi khuẩn](#)

[kháng](#)

nhiều loại

[kháng sinh beta-lactam](#)

. Các vi khuẩn phổ biến nhất tạo ra enzyme này là

[gram âm](#)

như

[Escherichia coli](#)

và Klebsiella pneumoniae, những gen cho NDM-1 có thể lây lan từ một chủng vi khuẩn sang

một chủng khác bằng cách

[chuyển gen ngang](#)

.

Sau đây là bảng đề kháng tự nhiên của một số loại vi khuẩn thường gặp theo CLSI 2017:

ĐỀ KHÁNG TỰ NHIÊN CỦA CÁC LOẠI VI KHUẨN

Sơ đồ kháng tự nhiên của vi khuẩn

Viết bởi Biên tập viên

Thứ năm, 31 Tháng 12 2020 15:14 - Lần cập nhật cuối Thứ năm, 31 Tháng 12 2020 16:58

	AMPI CELL IN	AMO XCEL LIN/A CLAV ULAN IC	CEFO XITIN	CEFURO XIM	IMIPE NEM	CEFO TAXI M	CEFT RIAX ON	CEFTAZID INE	CEFE PIME	MEROP ENEM	GE/ AK	SXT	FOFO MYCIN
Acinetobacter baumani	R	R											R
Acinetobacter calcoaceticus complex	R	R											R
Burkholderia cepacia complex	R	R			R	R	R		R		R		R
Pseudomonas aeruginosa	R	R				R	R					R	
Enterococcus faecalis			R	R		R	R	R	R	R	R	R	
Klebsiella pneumoniae	R												
Morganella morganii	R	R		R									
Proteus mirabilis	R												
Proteus vulgaris	R												
Providencia rettgeri	R	R											
Serratia marcescens	R	R	R	R									
Enterobacter aerogens													
Enterobacter cloacae complex													
Staphylococcus spp MRS (+)	R	R	R	R	R	R	R	R	R	R			
Trực khuẩn gram âm men ESBL (+)			R	R		R	R	R	R				

Nguồn:

1. Austin, D. J., Kristinsson, K. G. & Anderson, R. M. The relationship between the volume of antimicrobial consumption in human communities and the frequency of resistance. Proc. Natl Acad. Sci. USA 96, 1152–1156 (1999).
2. Conway, S. P., Brownlee, K. G., Denton, M. & Peckham, D. G. Antibiotic treatment of multidrug-resistant organisms in cystic fibrosis. Am. J. Respir. Med. 2, 321–332 (2003).
3. Enright, M. C. The evolution of a resistant pathogen – the case of MRSA. Curr. Opin. Pharmacol. 3, 474–479 (2003).

4. Weigel, L. M. et al. Genetic analysis of a high-level vancomycin-resistant isolate of *Staphylococcus aureus*. *Science* 302, 1569–1571 (2003).
5. Jeann B.Patel, Melvin P Weinstein. M100 Performance Standards for Antimicrobial Susceptibility Testing. 27th Edition, 212 - 215